

PFC	Dist. To 3' gene	Length	Sequence
XtrB _{CG} 22	95,671	23	CCACTGCAACTACTAACCTTTA
XtrB _{CG} 35	11,212	22	GGCCCTAGAGGAGTGTAGGGGC
XtrB _{CG} 36	3,460	22	GTAAATATGCTTTGCGCTTATT
XtrB _{CG} 37	1,248	22	AGTACAGAATGGCAACTCAG
			CCGATTGATGAATAGCCCTCTGACGCTTTATCAGGCACACGG AGAAAGTTTGACCAATCATTGCGCAGGAGCTCACACGCCAGC
XtrB _{CG} 38	179	116	AGCCCAAGTGCACCGAGTTGGCGAGCAAGTTG
			CTCGTAAACTCCTAACAGCTTTTATATGCTGCGGTATAAACA ACATCAACATCTCGGCTTTATGGCGTTTTATAGTTCGCTAAAC ACTTTACGGCGTTTTTTTTGGCGATTACAAACGCAATTCCTTTC ATCGGAATAGTTAAACCTTTATCAATAATAGGGGGGAAATT GATCATTA AAAATGTAAATATGACTGGGCTCGTTTGTAAAA ATATGTTTCAGCCTAAGAAACGGTATGATTTGATAACTTGTA TAAAAATCCCAATTACATTTATAGGACCTTTAAAAAAAACC AGCGGCAATTA AAAATCGTGTACTTTTTACAGTTTTCTAAAC
XtrB _{GH} 50 _{abcdef}	9,020	352	CGACCTGACATT
XtrB _{GH} 51 _{ab}	8,352	30	TGATTTGTTGTAAGGAGAGAGATCTCATT
			CCAATAGGAGCAGGCTTTGCTAATAGATGCAAACGTTCTCTGA AAAGACACAGCAAAAATATGAAAGAACTCATTGCTGGGAAG TAAATCACAGAAAAGTATTGAACTGGCAACCCCTTCTGG
XtrB _{GH} 52 _{bcde}	8,209	153	AAATGTAAAGCGAGAAAGTCTTTAAGTG
XtrB _{GH} 60 _a	7,472	17	CAACATGAAACTGCCTA
			AGATGGCGGCGGAGGAAAGGCTGCACTTAAAGCAGTCATGA AGAAATGCAATAAAATTCCTTGTGTTTTATGAAAATTTACAA CTTTGTGTTAGAAAGTTTATGAGTGGCTGGGTCCTGGGATTGG CCAGGGCCGGTCATGTGGACTTGTAGCCGTGAACATGAACTT
XtrB _{IJ} 65 _{abc}	5,298	179	TTCTCATTTCCC
			CCAATCTCCGATAAACTACTAATAGCTAAAGCACTTGGACTA
XtrB _{IJ} 70 _{ab}	90	61	TAAAACACAACAAATCATA
			CCTAACGATTCTCAGATCGTCATTATTTGTAACCATAGAGCA TGGATTACCTCTTGAGGTCATCAGTGAGAATTTACGACTGGT CAACAAAAGCACGTGATTCCAAACGCACCCACACCCCAT ATTTGGCCGCATACATAGCAAAAAGCAAGTACAGTGTATGG
XtrB _{JK} 79 _{ab}	250	192	GGATAATTCATTAATACATCATAAAT
			TGACATTTCCATGTCAAATGGATTGGGTTTTATGTAGAAGTTC CATGGTACAAAATGGCCAGACCTCAGGCTCAGACCCCTCA CTGGCTCGCAAAAGTCACGTGTGCTCCATAAAGTTAGTTTTA TGGTTTTAGGGAGTTGACAATGTACAATATATTTTACAAATCT
XtrB _{KL} 87 _{bcdef}	11,748	193	CCAGAATGTTAAGTGACAGTTAAC
			CAGATTTGGAGAAGATAGATCTATGTTTCATCTTTAATCAGC
XtrB _{KL} 110 _{abc}	18,135	71	CAAACCCTGGCCCATTTGTCATGTTTAC
			ACAGATGTTCCCTCGGTAAATCCAGGTTTTCCCTGTGTTTTAT GTTACAAAAGGCACCGGCCACTGCAATAGCTCAAACCTGAC AAGCAAAAAGATAATCAAAATGACAAATGAGTTCTTTTGTGA
XtrB _{KL} 113 _{ab}	17,291	156	GACACAGATCTTGTATTAATTTTCATTTTC

XtrB _{KL} 114 _b	16,696	39 AAGAAAAATGAGAGAATTATACAGAAAATCATTAAATCAC
		GGTCATAGTGGTCCTGAGTGGATGGATGTCAGCCCCCCCATC
		CCCCACCCCTGTCACGTGATTCATTAATAATTAATGCAGA
		GGTTGCAGGATAGATATGTATTCTCAGGAAAATCGCAGACA
		TGGTCTCCTTGCGTCTGACGTGAAATTCAACTGTCCTTAAAA
		AACAGCCTATAGCAGAGACAAGAAAGAGAGAGAGAGGGAG
		AGAGAGAGAGAGAGAGAGAGGGCTGCCATAGAGAGAGTGGGATT
		CGAGCCACACCGTGGGCTGGATTATTGTAAGTAGCAGGGATT
		CCCTGTGTCTGTCTGTCCATGTAATAATTATTGTGTTTTATTAA
XtrB _{LM} 118 _{abcde}	13,264	362 TGTATTGTCTGTAACACTGTGACAAATAG
XtrB _{MN} 139 _{bc}	4,026	20 TTAACGTGAATACAGGGTAT
XtrB _{MN} 140 _b	3,795	19 TTGCACTTACAGTTTACAT
XtrB _{NO} 161 _{ab}	266	39 TCAGATTGATGGGCCGGGTTTGATTGAAGTCTCTTTGTC